SEQUENCE LISTING

SEQ ID NO:1

5

Streptococcus salivarus 57.I ure operon

```
1 gatteteaac attattgtca ttgettatgg agettgtaca gggcaaggeg etgaatggtt
             61 ttatggtage gecacaggte ttttatttge etteacetae etttacteag etateaatae
            121 gattttcgat tttgatcaac gtttgtatgg gtggtttagt ttatttgtgg caattaatac
            181 gctaccagca gggattettt gcttaacate tggatacggt ggtaatgett ggtatggtat
10
            241 tatttggttc ttgtggggta ttctatggct aactgccttt attgaaatta accttaagaa
            301 gaacctagga aaatttgtcc cttacctagc tatttttgaa ggaattgtaa cagcttggat
            361 tccggggctt ttgatgcttt ggggcaagtg gtaagcattg atttaaggag gaaaaacgat
            421 gcaattgaca atgcgtgagc agaaaaaaat gatgattagc cttgcggcta tgattgctca
            481 acgacgtaaa gataaaggaa tcaaattgaa tcatccagaa gcggttgctt tgattacaga
15
            541 ctatgtgctt gaaggtgcaa gagaaggtaa aacggttgcc caattgatgg atgaagctcg
            601 caatctttta acacgtgaag atgttatgga aggtattgcg gaaatgattc caatgattca
            661 agttgaagct acttttacgg acagtacaaa actggttact gttcatgatc ctattcagta
            721 aggagaaatg taatgattcc aggtgaatac catgtggcga gtgagccaat tgattataac
            781 ggtggttacg aagccattag tettgaagtg aaaaatgtgg gtgaccgtgc tgctcaagtg
20
            841 ggctctcact accattttta tgaagcaaac gaatctggtc ttcagtttga tcgtgaaaag
            901 gegegaggea aaegtetaga tatteeagea ggtacageea ttegttttga gecaggtgaa
            961 acgaaaacag tacaacttat tgactttgga gggaaacgtc gtatttttgg tttcaataac
           1021 aaggtcaatg gtttcttaga ctagaaagag gacaaatcga tgagttttaa aatggatcgt
           1081 gaagagtatg ctcaacacta tggaccaact gtaggtgata gcgtacgtct tggagatacc
25
           1141 aatctttttg cagccattga aaaagacttt actgtttatg gacaggaatc taagttcggt
           1201 ggcggtaaag ttttgcgtga tggtatgggt gttagtgcta cggaaacacg tgacaatcca
           1261 tragttgttg ataccattat taraggtgra accatrattg actataragg tattattaaa
           1321 gcagatatcg gtattcgtga tggtaagatt gttgctatcg gtcgcggtgg taacccagat
           1381 acaatggaca atgtggactt tgttgtgggt gctagtacag aagccattgc tgctgaaggt
30
           1441 ttgattgtga ctgctggtgg tattgacctt cacgtgcact atatttctgc cgaccttcct
           1501 gaatttggtt tggataacgg gattactacc ctctttggtg gtggtactgg tcctgctgat
           1561 ggaagtaatg cgacaacttg tacaccaggt aaattccata ttactcgtat gttgcaagct
           1621 gttgatgata tgcctgctaa ctttggtttc cttgccaaag gtgttggttc tgagactgaa
           1681 gtggttgaag agcaaattaa ggccggtgca gcaggaatta aaacacacga ggactggggt
35
           1741 gegaettaeg caggtattga taatteeett aaagttgegg ataaataega tgttteettt
           1801 geggttcaca etgactettt gaatgagggt ggatttatgg aaaatacttt ggaatcette
           1861 caaggtegta etgeteatae ettecaeace gaaggtteag gtggtggaca tgetecagat
           1921 atcatggttt ttgctggtaa ggaaaatatt ttgccatcat caactaaccc aatcaaccca
           1981 tacaccacaa atgctattgg tgagttgtta gatatggtta tggtttgcca ccacttggat
40
           2041 ccaaaaattc cagaagacgt ctcttttgct gaatcacgtg tacgtaaaca aactgtagct
           2101 gcagaagacg ttcttcacga tatgggtgcc cttagtatca tgacttcaga tgccatggca
           2161 atgggacgtg tcggtgaagt ggccatgcgt tgttggcaac tggctgataa gatgaaggct
           2221 cagcgtggtc cacttgaagg ggattcagag tttaacgata ataaccgtat caaacgttac
           2281 gtggctaaat atacaattaa ccctgccatc accaatggta ttgcagacta tatcggttct
45
           2341 gtagaagttg gtaaatttgc agatttggtt atctgggaac cagetcaatt tggtgcaaaa
           2401 cctaagttgg tgcttaaggg tggtatgcta acttatggtg ttatgggtga cgctggttca
           2461 agtottocaa cacotcaaco acgtatoatg cgtaaattat atggtgotta cggtcaagcg
           2521 gttcatgaaa caaatcttac atttgtttct caatatgctt atgatcacgg tatcaaagaa
           2581 gaaattggtt tgaataagat tgttcttcct gttaagaata cgcgtaactt gactaagcgt
50
           2641 gatatgaage ttaatgacta egetecaaaa acaateegta tegatecaca gacetttgat
```

```
2701 gtetttattg atgatgagtt ggttacttgt gaaccaatcc atacgacatc attgtetcaa
           2761 cgttatttct tgttctaagg aagacgctat ataaatgagg ctggaatttt tcctccaacc
           2821 tettttgtat tttatageca taacgttttt agtgetttat taagttgeta tatgagtttg
          2881 atgctagatt tttaaaatgt aatagaaaag gaaaaagtat gatttttaca aaagtagatg
 5
           2941 ctcttgttaa agatatctat gtggacaaat accatattga aacagtcatt ctttcgagcg
           3001 atgaccttaa caaaaaaatt attcgtgtga agagtgatca tgggaatgaa tttggtattc
           3061 gtcttgataa gggacaaaaa ttgcaaaatg gctctgcctt ttttatcgat gatcaccatg
           3121 tectagetat tggtgttgag teacaggatt tgattgteat tteacetaaa gatatggatg
           3181 aaatgggaat cacageteae attettggga atacteataa acegattgag gtgaaagaeg
10
           3241 ccaagattta tttagaggtt gatccagttg tagagcaagt cttgactcaa aaagagattg
           3301 cctacacgat tgaagaagtg gtccttgata agcccctacg ccatgtgaat ttaactgccc
           3361 atgaacatta atccctttgc taatgtgtct ttgcaagatt atcttgaaat tgtgcaaatt
           3421 gtcgattcaa cctttccaat tggatcattt aaccactctt ttgggatgga aaattatctg
           3481 cgcgaagaca ctgtaacaga tgataaaggt tacgaggagt ggcaagaagc ctatttagct
15
           3541 agtcagttta aatatggtga aggtcttgta atcaaattgg tttatgatgc tatggctaca
           3601 gacaacttag agcaggtttg gcattatgat aaggtcttga cagtttcgac gcaagcgcgt
           3661 gaaacaagac aggggactaa aatgattgct aaacaaatgc ttcgacttat tcaaaggctc
           3721 catgctattc cggtattgga tgactatcag tccaaaatac gtaagggtga ggtcttcggc
           3781 aatccaqcta ttgtctttgc actctatgtg tttaacaagg gcttggggatg tagtgaagct
20
           3841 attgcacttt atggctatag cgtgatttcg acgatggttc aaaatgctgt tcgtgccatt
           3901 ccacttggac agtttgctgg acaagagatt gttttacgta gcttttcaca attagaaaaa
           3961 atgacacaag aaattcaaga actggatgcg tcctaccttg gggccaatac gcctggtctt
           4021 gaattagctc agatgaaaca tgaaacacag gtattccgcc tattcatgtc ctasaatatc
           4081 aacaaggttg agaggaaaaa acaatgacaa aacgtactgt aattattgga gttggtggac
25
           4141 ctgttggttc aggtaaaacc cttttgcttg agcgtcttac acgacgtatg tccgacttaa
           4201 atttaqcaqt tattactaac gatatctata caaaagaaga tgctcttttc ttggctaaaa
           4261 attcaagett agatgaagae egtateattg gtgtagaaae tggtggatgt eeteataetg
           4321 ctattcgtga agatgcctct atgaactttg aagcgattga aactcttcaa gagcgcttta
           4381 accatgattt ggatgttatt ttccttgaaa gtggtgggga taacttggct gcgaccttca
30
           4441 gtcctgattt ggttgatttc accatttata ttattgacgt tgctcagggt gaaaaaatcc
           4501 cacgtaaggc tggtcaaggg atgattaaga gtgatttgtt cttgatcaat aagactgacc
           4561 ttgctcctta tgttggagcc aacctagacc gtatgcgtga agataccctt catttccgta
           4621 acgaagattc tttcattttc acaaatttga ataatgatga caatgttaag gaagtggaag
           4681 aatggattcg taagaatttc ctactagagg acttgtaaga tgacacaagc atacgatggc
35
           4741 tttgtccatc ttggattttc aaaccgaaat ggtcgtacaa tttcccacaa gaaataccaa
           4801 gaaggcaact ctcgagtatc ggcggataat tcagatgcca acggtgttcc ttactatttc
           4861 ctcattaata tgggtggggg atttgtcgag ggtgagcagt atcaagtgac cattgatgtt
           4921 aataaagatg ctcatgcctt ggtaacaacc caaacaccta cctatgttta caagtgtgag
           4981 aaaggacagt tgacacatca gaatacgtcc atcacacttg aagaaaatag ctatttggag
40
           5041 tacatggctg atgaagtcat tecetatttg agateaeget atttecaaac aagtegtatt
           5101 gatatggata agtotgocca ottgatttat toagatggtg tgacggcagg ttggtotcat
           5161 qaqqatttqc cqtttcaata ccattatttt cqtaatttga cacaaatcta ccaagatgat
           5221 gagettgttt atagegatea gaceetetta gageeteaga aacaagatat gtttaaaett
           5281 ggttattttg aaggetggeg taattataat agtttggtaa tggtgtcacc aaatattgac
45
           5341 gaggettttg ttaaggettt geagaageae ttagaaaate tgaatttaga gtetgatttt
           5401 gctatttcat ccttagatat cccgggtctg gtgttacgta tcttaggaaa aactgctgag
           5461 gataatcgtc gcgtcattta ttcttgtgca gactatttta gacaagaaat acatggatta
           5521 acccctttga atttgagaaa aaatgatatg aggagataaa aaatgcatat tcctgaaaat
           5581 tacttaagcc ctatgacttg tgcggcaatg ggggcagtta tgttgcctat ttggtataag
50
           5641 gctgtcaagg aagtgaaggt aaaggttgac actgataaaa aaacgattcc tatgttggga
           5701 atogggactt cettgteett cettateatg atgtttaate ttecagecce aggtggaacg
```

```
5761 agtgcccatg ctgttggggc agtgctaatt gctatattat taggaccttg ggcctcctgt
           5821 ttagcagtta gtgtggctct agctatgcag gctttgctat ttggtgatgg tgggattttg
           5881 geetttggtg egaatgeett ttgtatgget gttgtcatge catttgtggg ttatgetgtt
           5941 tataaactct tgaataagtg gacgaagaac aggataattg ctagcttttt tggaggttat
 5
           6001 attggaattg tagttgeggc cetaactgtt geggttttac taggaattca accgattete
           6061 tttaaagata gcagtggtaa tccgctttac aatccatacc ctttgagagt gacgcttcca
           6121 gtaatgggot tgactcacct gcttatcggc ttggtagaag gatttttcac agccggtgtt
           6181 caagaattca ttgaacgttt gaatattgat aatactcagg aaataacgac taaaaaacta
           6241 cgtcctttat tgctctttat cctagcctta attatcctaa cgccacttgg tttattggcg
10
           6301 acgggaacag cttttgcaga atgggatgtc aaagagttgg tagaaaaatt gtctcattac
           6361 catgtggaag cccaagcgcc aaaaggaatg ttgaatggtt tttcattcaa tgccctcttc
           6421 ccagattata gtatcgcagg cattccagaa gttttgggtt atatcctgag cgctgcctct
           6481 getgttttga ttttetteat eetetatege ttgat ttteg gtagaaaggt tgaaaaatga
           6541 ttctgccaga ttggatgtcg gaagagcgcc cagtagtcac taaagtcggt agaaataact
15
           6601 ttcttatccg gaatcgtcac catctggaag ctcttcttca aaagtttgaa acgcatcctt
           6661 taaaagtagc atcagttttt catccaacag ctaaggtttt acttctcttt ttcttacttg
           6721 tttcagtggg aattagccga aatctcacag ttttgtggat tgtagccttg tttttaggag
           6781 ctggcgtggc ttttttaccg cattctgttt tagtaagaac tttgaaaaaa actgtagtgt
          6841 tgttgatett ceetttagtt etttatetae egeat etett aettagegga ggtcaatege
20
           6901 totttotttt tagacttoot ttgattgotg tagocattgo ttattattoa gaaacgagta
           6961 caataagtga gatgttggcg gcattaaaag gattgcattt tcctgatctt gttctgctcc
           7021 agttagatat caccataaaa tatattgatg tccttggaaa acaattgatg gatttgctca
          7081 aagggattga agcgcgaagt tttggtggca atcat cgttt ccggattgga agtaatatct
          7141 ggggaatttt ataccttaaa gccatacgct atggtgagga actgactcaa gccatggaag
25
          7201 cacgttgctt tgttggtgag tatgtcaagt catcacagtc attcacatgg aaagactggc
          7261 tggccttgat aagtctagta gcagtgattt tagga.cagat tctgttagga ggatgagatg
          7321 tttcaattga atcaagtggc ctgtgcctat gaacaaaaa aggtctttac tggtcttgat
          7381 ttggagatta gacaaggaca atatgtgatg ttgatggggg aaaatgggac tgggaaatca
          7441 agtottatoa gtttattaac tggottcaag caggaagaat ctggacgtat tottttotta
30
          7501 gggaaggaco tcaaagaatg gctgaaggac aaacgtcaaa aacgagattt ttatagccgc
          7561 ctcggaatcc tctttcagga tgtggatagt caattattta atagtactgt ctatgatgag
          7621 attgcttttg gtcctcgtca gctaggtctg accgaagaag aggtctcaca gcgggtccaa
          7681 gacacactgt ccctgcttaa aattgaagat ttaagggatc gcgttcccta tcaactgtct
          7741 ggtggagaaa agaagaaagt ggcctttgcc agtat catgg taacgaatcc agatgtgtat
35
          7801 attettgatg aaccettcaa taatetttet aaagaatatg aagaattttt tagggaactt
          7861 ctacatgaac ttcattcagc tgggaaaacc attattatgt ctgctcatca cttcaagcac
          7981 gcccaggaag tgctcaataa ccagcaagtg attgagcgtt tgtcacatta ttaataacta
          8041 taagtaggaa atcgttattg gttttctact ttttctttgt caaacaatta atacttttag
40
          8101 gtgatagtat tttcttatca ccttgattat gtttaagtat tagttaagcc tagtgaattc
          8161 tgttacaata aaaacaatca atctcaaagg agagt attat gaaacttaaa aaaattcttg
          8221 gaattacagg tgtagctatt gcttcagtag ctttgcttgc tgcatgttca tctaaatcat
          8281 caaaagaagc atctaaatct tcaggtgcta aagaa.acaat taactttgcc actqttggga
          8341 caacagcacc attctcatat gaagaaaatg gtgaattgac tggttacgat gtggaagtgg
45
          8401 ccaaagcagt cttcaaagac tctgacaaat atgaagtgaa attccaaaaa acagaatggt
          8461 cttcagtctt cacaggtgat gactcagcta aatacca
```

SEQ ID NO: 2

S. gordonii arc sequence including the anaerobic regulator flp

TAATTATAGGAAATTATTTGCCTAAAAAAGTACAAGAAAACAGACGCCCCCTGA ATCTTCTGTTTGTAAGCAGAATACATAGATATATCTTTATTTGTAAGCGTATTTAT GATATACTGTCATTATCAAATATAAAAGGGTTATTATGATTAATAAGGAACATTA 5 TCGGTTTATCCGCCAGCATCCTGCATTTGAGAATTTTCCAGTAGAGTCTTTTGATA AATTAGCCATTGAAATTCAATTTCATAAGGTTTCGAAAGGTCAAATTATCTTTTTT TCTGGAGATCGCCTGATCGCCTTTTTCTTCTCTATCAAGGATATGCTCGAATAG AACAGTATGATGCTACCGATACTTTTTCTTATACTGATTATATAAAAAAAGGGGAA TGTTTTCCCTTATGGTGGCATCTTCTTTGATGAGCGCTATCATTATACTGCAAGTG 10 CTGTGACACAGGTGGAATATTTTAGTATTCCTATGAAATTGTTTGAAGATTTTTCT AAGAAAAATGTGAATCAGCTGTTGTTTATTACGCAGAAACTATCCAGAATCTTGG TGTTCAGTCCCTTTCGATCTTATGTATGGATTTATGCAAAACAGGGGATGTTTTGC CATTTCCAATTAGTATGAAGGAGTTGGCTAAACTAGGAGCTACAACCCGTGAAA 15 CAGTTAACCAGGTTCTCAAAAGGTTGAGAGAAGAAGGCCGTATCAGCTATGAGC TTAGTCTACTGGACCGACTTTCTTTTTTTAGCAAAAACAAAGATTTTATAAAAAA ATAAATATTCGCAAAAATCATAAAAGATATAAAATATGCAAAGAAAACGCTTCA AAACATAAAAAAATTTAAAAAAATCTAAAAGTGATAAAAATTTGGCATTTAGA 20 GTGTCAGTTTTTTGTGTAAGTGTTTTCAAAAAATGCTAGAATAATATATGTAAA CGGGCTTAGGAAAACCTAAACCGCAAAGAACAAGGAGGAAAGTAGATGTCTAC ACATCCAATTCATGTTTTCTCAGAAATCGGAAAAACTGAAAAAAGTTATGTTACAT AGACCTGGTAAAGAGTTGGAAAACTTGATGCCAGACTATCTCGAACGTCTTCTCT TTGATGATATTCCGTTTTTGGAAGATGCACAAAAAGAACACGACAACTTTGCTCA 25 AGCGCTTCGCAATGAAGGTATTGAAGTGCTATATCTAGAAAAACTGGCTGCTGA GTCTTTGACCTCACCAGAAATTCGCGACCAATTCATCGAAGAATATCTTGATGAA GCAAATATCCGCGGACGCCAAACTAAAGTGGCTATTCGTGAGTTGCTTCAAGGTA TTAAAGATAACCAAGAATTGGTTGAAAAAACAATGGCTGGTGTACAAAAAGCTG 30 ACTATCCATTCGCTATCGATCCAATGCCAAACCTTTACTTCACACGAGATCCATTT GCTACAATTGGTAACGCAGTATCACTCAACCACATGTATGCAGATACACGTAACC GCGAAACTTTGTATGGTAAATATATCTTCAAATACCATCCAGTTTATGGTGGAAA TGTTGAGCTTGTTTACAATCGTGAAGAAGATACTCGTATCGAAGGTGGAGATGAG

TTGGTTCTTCTAAAGATGTATTGGCAGTTGGTATCTCACAACGTACTGATGCTGC ATCAATTGAAAAATTGTTGGTAAACATCTTCAAGAAAAACGTTGGCTTCAAGAA AGTATTGGCTTTCGAATTTGCTAACAACCGTAAATTCATGCACTTGGATACAGTC TTCACAATGGTAGACTACGATAAATTTACTATTCACCCAGAAATCCAAGGCAATC TTCGCGTCTTCTCTGTAACTTACGAAAACGAACAATTGAAGATCGTTGAAGAAAA 5 AGGTGATTTGGCAGAACTTCTTGCTGAAAACCTTGGTGTTGAAAAAGTAACATTG ATTCCATGTGGAGATGGCAACGCTGTTGCTGCAGCACGCGAACAATGGAACGAT GGTTCAAACACTCTTACAATCGCTCCAGGTGTTGTTGTTGTGTATGACCGCAATA CAGTTACTAATAAGAAATTAGAAGAATACGGCTTACGTTTGATTAAGATCCGCGG AAGTGAATTGGTTCGCGGTCGTGGTGGACCTCGTTGTATGTCAATGCCATTCGAA 10 GAAATAAAAGAATGACAAATTCAGTATTCCAAGGACGTAGCTTCCTTGCAGAAA AAGACTTTACCCGTGCAGAGTTAGAATACCTTATTGGTCTTTCAGCTCACTTGAA AGATTTGAAAAACGTAACATTGAGCACCGTTACCTTGCTGGTAAAAATATCGCT & CTCTTGTTTGAAAAACATCTACTCGTACGCGTGCAGCCTTTACTACAGCAGCTA 15 TCGACCTTGGCGCACATCCAGAATATCTTGGTGCTAATGATATTCAGCTTGGTAA AAAGGAATCAACTGAAGATACAGCTAAAGTTTTGGGCCGTATGTTTGATGGTATT . GAATTCCGTGGTTTCAGCCAACGTATGGTTGAAGAATTGGCAGAATTCTCAGGTG TTCCAGTTTGGAATGGTTTGACTGACGAATGGCACCCAACTCAAATGTTAGCTGA CTACTTGACAGTTCAAGAAAACTTTGGTCGCTTAGAAGGCTTGACATTGGTATAC ... 20 TGTGGTGACGGACGTAACAACGTTGCTAATAGCTTACTAGTGACTGGTGCAATTC 🕆 TTGGTGTTAATGTTCACATCTTCTCCAAAAGAACTCTTCCCAGAACAAGAAAT TGTTGAATTGGCAGAAGGATTTGCGAAAGAAAGTGGCGCTCACATCTTAATCACT GAAGATGCTGACGAAGCTGTGAAAGGTGCTGATGTACTTTACACTGACGTTTGGG 25 TATCAATGGGTGAAGAAGACAAATTTGCAGAACGTGTTGCTCTTTTGAAACCATA CCAAGTAAACATGGATTTGGTTAAGAAAGCTGATAACGAAGACTTGATCTTCTTG CACTGCTTGCCTGCTTTCCACGACACAAATACTGTTTATGGTAAGGATGTTGCTG AAAAATTTGGCGTAGAAGAAATGGAAGTAACTGACGAAGTATTCCGCAGTAAAT ATGCTCGTCATTTCGACCAAGCAGAAAACCGTATGCATACAATTAAAGCAGTTAT GGCTGCAACTTTAGGTAATCTTTACATTCCAAAAGTATAACCTTAAAAACAATTA AACTGTAATACCAACAGCTATGAGGGCTGCGACTAATAGCTTTAGTCCGCCCTCA TATTGTAATCAAAATTAAAACGCATTTACTTTGCGTTGAAGGAGAATTATATGGC AAATCGTAAAATCGTTGTAGCCTTGGGAGGAAATGCCATCCTTTCATCTGATCCG

30

TCAGCAAAAGCCCAGCAGGAAGCCCTAGTTGAAACTGCTAAGCATTTGGTGAAA CTGATTAAAAATGGAGATGACCTTATCATTACTCACGGGAATGGTCCTCAAGTAG GAAATCTCTTGTTACAACATTTAGCAGCTGATTCTGAAAAGAATCCTGCTTTTCC ACTCGACTCTCGTAGCCATGACAGAAGGAAGCATTGGCTACTGGTTGCAAAAT GCTTTGCAAAACGCTCTCTTGGATGAAGGAATTGACAAAAACGTTGCTTCAGTTG TAACACAAGTGGTTGTAGATAAGAACGACCCAGCTTTTGTTAACCTCAGCAAACC AATCGGACCTTTCTATTCAGAAGAAGAAGCAAAAGCAGAAGCTGAGAAGAGCGG AGCAACTTTCAAAGAAGACGCTGGACGTGGCTGGCGTAAAGTCGTTGCTTCACC AAAACCGGTTGACATTAAGGAAATCGACACAATTCGTACTCTTTTAAATGACGGC CAAGTAGTTGTAGCTGCTGGTGGCGGTATTCCTGTCATTAAGGAAGATAACG 10 GTCATCTTCAGGAGTTGAAGCTGTTATCGATAAAGACTTTGCATCTCAACGTTT GGCTGAGTTAGTTGAAGCTGACCTCTTCATCGTGTTGACAGGAGTAGACTATGTC TTTGTAAATTACAATAAACCTGATCAAGAAAAATTAGAACATGTTAATGTTGCTC AGTTGGAAGAATATCA AACAAGATCAATTTGCTCCAGGAAGTATGCTTCCAA AAGTTGAAGCAGCTATTGCTTTCGTTAACGGTCCTCCAGAGGGTAAAGCGGTTAT 15 TACTTCACTAGAAAATCTGGGTGCTTTGATTGAGTCTGAAAGCGGAACAATTATT CAAAAAGACTGAAATCAATTTTGAACTATAGACTAGTTTAAAAGATTTGCTCTAA TTTCTTGGATATTTATTCAAGAAGAGAGCTTGGTTTTTTGCACTTTGTTAGATTTT AGGAGGAGAAAACAATGAGTGAAGAAACAAAAAAAGGGTTTAGGATGCCTTCTT 20 CTTATACCGTCTTGATTATCATTGCTGTTATGGCAGCACTAACCTGGATTATT CCGGCTGGTCAGTATGATGTCAACAAAGAAGGAAACCTGATTGCTGGAACATAT AAAGAGGTTGCTTCTAACCCTCAAGGGATTTGGGATGTTCTCATGGCACCGATTC GTGCGATGCTTGGACACGAACCTACAAAGGCAGCGATTGACGTTTCCTTCTTAT CCTGATGGTAGGTGGTTTCCTTGGTGTTGTTAATGAAACTGGAACCTTAGATGTA 25 GGGATTGCTTCTATCGTGAAGAAGTACAAAGGCCGTGAAAAAATGTTGATTGTC ATCCTTATGCCTCTGTTTGCCCTTGGTGGTACAACTTATGGTATGGGTGAAGAAA ATTACAGCCGTAGCCATTATCTTACTTGGATCTCAAATTGGATGTTTGGCATCCAC 30 TCTAAATCCATTTGCAACAGTTATCGCTTCGGATACAGCAGCGTGCCGACAGCA GATGGTATTGTGCTACGTCTTATCTTCTGGTTTGTAATGGTTGCAATGAGCACTTA CTTTGTTTATCGTTATGCGGATAAGATTCAAAAAGATCCTACCAAATCTTTGGTAT ATAGCCAAAGAGAAGAAGATTTGAAACACTTCAATGTAACGGATAACGATGATG CACCTTCTGTCTTGAGTAAGAAACAAAACATGTTTTATATCTCTTCATTGCAAC

ATTTGTTATCATGGTTGCCAGCTTTATCCCTTGGACAGACCTTCATATCGATCTTT TTGAAAACTTTAATTCTTGGTTAACAGGTCTTCCTGTAATTGGTAAAATTATTGGT TCTTCAACTGGGGCTTTGGGTACTTGGTACTTCCCAGAAGGCGCAATGCTCTTTG CCTTTATGGGTATCTTGATTGGTATCGTTTATGGTCTTAAAGAAGACAAGATTATC TCAGCCTTCATGAATGGTGCTGCTGACTTGCTCAGTGTTGCCCTTATCGTAGCGAT 5 CGCGCGTGGTATCCAAGTTATCATGAACGATGGTATGATTACTGCGACTATCCTT CACTGGGGTGAACAAGGACTTAAAGGTCTGTCATCTCAACTATTCATTATCTTGA CTTACATTTCTACTTGCCAATGTCATTCTTAATCCCATCTTCATCTGGTCTTGCCA GTGCAACAATGGGTATCATGGCACCTTTAGGAGAGTTTGTCAATGTGAAAGGAA GCTTGATTATCACTGCTTACCAATCAGCTTCAGGTGTTCTTAACTTGGTAGCACCA 10 ACTTCAGGTATCGTTATGGGAGCTCTTGCTCTTGGCCGTATCAGCCTTGGTACTTG GTGGAAATTCATTGGTAAATTGATTGTAGCCATTATCGTTGTCAGCATTTTGTTGC TTCTCTTGGGTACCTTCATTCCAGCTATTGGTTAAGAAATGTGAGGTGCTTCCATG AAAAATTATCTAACAGAACAAGTAAAAAAAGAATTTCTCGAATCTTTGAAAACT CTTATTTCCTACCCATCTGTTCTTAATGAAAATGAAAATGGAACACCTTTTGGAC 15 AAGCTATTCAAGATGTCCTAGAAAAAACTTTAGAAATTTGTCGAGGTATAGGTTT TACAACTTATCTCGATCCTAAAGGCTATTATGGATATGCAGAAATCGGTCAGGGA GAAGAACTCCTGGCCGTTCTCTGTCATTTGGATGTTGTTCCATCAGGTGAAGAAG CAGATTGGCAAACACCACCGTTTGTGGCAACTGAAAAAGATGGTTATCTCTTTGG ACGCGGTGTTCAGGATGATAAAGGACCGTCTATGGCAGCTTTGTATGCTGTTAAA 20 GCATTGCTGGATAGTGGTGTTCGCTTTAAAAAAACGGGTACGTTTTATTTTCGGAA CAGATGAGGAAACGCTCTGGCGTTGCATGGGTAGATACAATGAATTAGAAGAAA GGGCGACTCTTGGTTTCGCTCCTGATTCATCCTTTCCATTGACCTATGCTGAAAAG GGACTTTTACAGGTCAAGTTGCATGGACCAGGGTCCGATTTTATCAAACTTGAAG CTGGGGATGCTTCAATGTTGTACCAGCTAAAGCTAGTTACCAGGGGCCTTTCTT 25 AGAGAAGTAATTGCGGGCCTAAGAGCAACAGGCTTTGATTACGAAGTGTCAGC TAATCAGGTGACGGTTCTTGGTGTTTCAAAACATGCTAAAGATGCTGCTGAGGGA GTCAATGCAATCGTTCGACTGGCTAAAGTACTCCAAGTTCTTGCTCCCCATCCTG CTTTAGCTTTATTGCTGAAGCGGTAGGAGAAGATGCAACAGGAGCCCACTTATT TGGTCCCGTTTCAGATGAACCATCAGGAAGTTTATCTTTTAATATTGCCGGATTG 30 ACAGTCAGTTCCGAAAAATCAGAAATCCGAATTGATATTCGAATTCCTGTTTTAG CAGACAAAGAAAATTAGTTCAAACATTGACCGACAAGGCATCTGATTATCGCT TGGTTTATGAGGAGTTTGATTATCTAGCGCCTTTATATGTACCAAAAGATAGCGA GTTGGTCAGTACTTTGATGAGTATTTATCAAGAAAAACTGGTGACGATAGTCCA

GCTATGTCATCGGGTGGAGCAACCTTTGCTCGTACTATGCCAAACTGTGTTGCCT TTGGTGCTCTTTTCCCTGGTGCTGAGCAGACGGAACATCAGGCTAATGAACGAGC TAAACTAGAT GATCTTTACCGGGCAATGGATATCTATGCGGAAACGATCTTCCGT TTGGCTGGAGAATAAAAGAAAAGGAGTTGAAAATCTCAACTCCTTTTGCTTATTT ACTAAAGAAAAATGGTGGGGCAAATTCTTTAAGCTTATCAAAACATTCAATGGC 5 ACAATTTGAGGTAATTCCAGTGCATCCAGAATCGCTCCAAAAGACTGGGCTAGG CCGGGTAGAGTTTTCATGACCACTTGATTCTGAACGGCCGTAGCATGATGAGGG CGTCTTCCATATAAAAACGCAGGCGCTTCTCCCAGCGAGAAGGAGCAATGCTATT TATAACATAGTAAGAAATATTGTTTTCAGTGACCTTGACCAGGTTGAGGGCCTTC 10 ATATCTCGAGATAAGGTCGATTGGGTAACAATAACGCCATTGGCTTCAAGGAGTT CCTGAAGTTCTTGTTGAGTATGGACTTTTTTCTCCATAATCAGGGAACGAATTAA **ACGATGTCTACTTTCTATTTATTCATAAAATTACCTACTATTTGATAAACATAGC** GTCTCCAAAGCTGAAAAAGCGGTAACGCTCAGCAATAGCGTGTTCGTAAGCCTTT 15 AAGGTTAGGTCTCGTCCGGCAAAGGCTGAGACTAGCATAACTAAAGTTGATTTA GGTAAGTGGAAAATTGGTCGAAAAAGGCATCAACAATTTGCCACTGGTAGCCCGGT TTGATAAAAATATTGGTCCAACCAGAATCAGCTTGGATATCGCCTTTGAACTTAT TTCCTATGGTTTCTAGAGTTCGTATTGAAGTTGTTCCGACAGCGATAACACGGTG ACCATTTGCCTTAACCTCACGGAGGGTAGCGGCAGCTTCTTCAGACAAGTGTAA AATTCAGAATGCATTTCGTGGTCATCTAGATTGTCAACAGAAACGGGTCGGAAG 20 GTGCCAAGTCCGACGTGAAGGGTCAAATAAACCAACTTAACTCCCTTGGCTTCAA TTTGTGCAAGCAGTTCTTTAGTAAAATGAAGTCCAGCTGTTGGAGCAGCAGCGGA GCCATTCTCTTTAGCGTAGACAGTTTGGTAGCGCTCGCGATCTGCTAATTTTTCAT GAATATAAGGAGGCAGGCATTTCACCCAAGCTCTCTAGCACTTCTAAGAAAA 25 TCCCTTGATAGTCAAAGCGGACAATCCGTCCCCCGTGTTCTAGTTCATCTACAAC CGTAGCTGTCAGTCGACCATCCCCAAAGGAAACTTGAGCACCAACTTTCAAACGT TTAGCTGGTTTTGCTAAGACCTCCCATTGATCTCCTTCAGTATTCTTTAAAAGTAA GAGTTCAACGTGACCACCAGTTCCAGGTTTCTCACCGTAGAGACGAGCAGCAG GACCCGAGTGTTATTCATGACAAGGGCGTCGCCAGGCTGGAGTTGATCAATAATT 30 GAGTCAAAATGCTGGTCAGAAAATTCTCCGCTTGATCGGTCTACAACCAATAAAC GAGAGGCATCGCGTTTTTCAAGAGGAGTTTGGGCAATAAGCTCCTCTGGTAAGTG AAAGTCAAAATCGGCAGTGTTCATTATTTCTCCTTAAACAGTCCATATAATCCAT AAAAAGTAAGCACAACATAAAATTGGAAAGCTAGTTAGTAAAATTCCAATACAA AGAGCTATCATTCTTAATGTTTTGATGGCTCTAAAAAATAGGCTGAGTACGAGAA

AAACAACACCCAGTAAAAATAAAAGTAATAAAATACAGTAACATTCTTATATTAT
ATCACGATTTTATCTTTCTTTGCTGGCAAAATTTAAAATATGGAAATTTCTATCTT

SEQ ID NO:3

5

S. rattus arginine deiminase operon and flanking sequences.

CCTGCCCTCGGAGGGTCATCTAAAGATGATTACCAAATGTTGCGAAATCTAGAG GAATTTCAGTACTTACCTATAGATTGTTTTGACCAATTAATGGCAGCTACACACTT AAGAAAAGCATCTAAAAATCATGTTTTATTTTTGTAAGGGAGATAATCGGGACA 10 AGTTATTTTAATCAAATCTGGCTATGTAAAACTAGAAGATACAGATAGCTCTGG TACGTTTTTATATACTGATTATGTGAAACATAATACAATATTCCCATATGGAGGT ATGTTTTTAGAAAAAACGTATGATTTTTCAGCAAAAGCCATTACTGACATTGAAT ATTTTTATATTCCTGTTGATTTGTATGAGAACTTTGTGGCTACCAACAGTACACAA ATGAGAGTTTTATGTCAAAAATTATCACGTTTGTTAAGGATTCATGAAATCCGTT 15 TAAGGAACGTTGTTACTTCAAGTGCTCAGGATCGAATTGTACAATCTTTGGCGAT CCTGCTTTTTGATGTATGCGAGGATAATATCTTACCTTTTTCTATTACTACGGTTG AAATTGCAGCATTAAGTGCTACGACACGAGAAACGGTAAGTCATGTTTTAAAAT CTTTAAAAGAAAGAACATTGTAGAATTAAGTGGACGAAAATTAGTTTTTTAAA 20 CAGGGATTACTTTTAAATTATATTTACTGATTGGATTGACGGAAACAGCGCAAG AAAAGGGAGTGGGAAAGAAGCCAAAAATTGAAAATTTTGGTTCTCACCGCTCCC TAATTCTAGGCGGTGACCTGAAACGGTCTCCCCAGACCGTTTCACTCCCACC TTCAACAATGGTTCATTAGGCACTAAAGTGCCTAATGAACTGTGCAGGGGAAACT 25 CTAGGTTAGCTAAAGCTGACAGAGTTTCTCCCAACCACTGCCTTATGATGTTAAA ACGAACTCTAATTGATGAGGTTGGACTTTTTTGCCCAACCTTTTTTTAAAATATTG ATATAAATGTCTAAGAGTTTTTGGCTATTATTATCACCTCTTAAATATTAAGGAG GCTGGGTCTGCTATTTAACGATTACCCTGCTTTATACTTTTATAGTACCAATATT TTTGTAAAACACTTTTCCTGACAGGAGGTGATTTGGGCTTCCTATTTTATTTCTC 30 CGACATCTCATAAACAGGCTTACAGCCAATAATATCTTATACGGTCTTTTTCACA AAGTGAGTATTCTGTCTAAAAAAGCATGTTTAACGTATGGGCTATTTCAATTATT ACTTTGATAAAGCNAATGCTATCAAATTTGNTTGCTCTACTTGTGTCAAATGACA GAAAAGCTGTACCGNTTAATTTTTCGCATAACAAAAGGATGATCATTACATAGAG CTTAGATGAACTTTTTGNTCAATAAGAACTCTGCGGCTGATTTACAAAGCTGCCT

TAGTTTTAATAGTCTAAATGAATTTATAAGTTAAATATTATAAAAATTTTAATTAA GCGAAAAAATCTTATTCATTTATAAAAAACCTCTWAAATGGNAATTTGTAATA AATGAGAAATTAATGATTCTCAAANTCGAAAGGAGTAGTTAACATGACTCAAAA 5 AAGCCCTATTCATGTTTTTTCTGAAATTGGAAAATTGAAGAAGGTAATGTTACAT CGTCCTGGAAAAGAAATCGAAAATCTTATGCCAGATTACTTAGATCGTCTTTTAT TTGATGATATTCCCTTTTTAGAGAATGCTCAAAAGGAGCATGATGCTTTCGCTGA TGCGCTTCGGCAAGAAGGTGTAGAGGTTCTTTATTTAGAGGAACTTGCAGCTGAG TCACTTGTGAATGACATTCGGGAACAATTCATTGATGAATACTTGTCTGAAG 10 CTAACATTCGTGGACGAGCAACTAAAAAAGCTATCCGAGAATTACTGCTGGAAA TTAAAGATAATAAAGAATTAATCGAAAAGACAATGGCCGGTGTTCAAAAGTCGG CAGATTATCCTTTTGCGATTGATCCAATGCCAAACTTATATTTCACACGTGATCCT TTTGCAGCAATTGGCAATGTTATCATTAAATCACATGTTTTCTGAAACCCGTA 15 ACCGTGAAACCCTCTATGGTAAATACATTTTTACCTATCACCCAGAATACGGCGG CAAAGTGCCATTGGTTTATAATCGTTCTGAATCCACTCGTATTGAAGGCGGCGAT GAACTGGTGCTTTCTAAGGATGTTTTGGCAGTCGGTATTTCACAGCGTACGGATG CAGCTTCAATTGAAAAATTATTAATTAATATTTTCAAAGAAAATCTTGGATTTAA 20 AAAAGTACTTGCCTTTGAGTTTGCTAATAATCGTAAATTTATGCATCTAGATACA GTCTTTACCATGGTTGACTATGATAAATTTACTATTCACCCTGAAATTGAAGGAG ATCTTCGTGTTTACTCCGTAACATATGAAGATAATAATTTGCATATTCAGGAAGA AAAAGGAGATCTTGCTGAACTGCTGGCTGAAAACCTTGGCGTTGAAAAGGTTGA ATTGATTCGCTGCGGTGGAAATAATTTGGTTGCTGCAGGTCGCGAACAATGGAAT 25 GATGGTTCAAATACCTTGGCTATTGCACCAGGTGTTGTAGTTGTTTATAACAGAA ATACCATCACAAATGCCATCCTTGAATCTAAAGGTTTGAGATTGATAAAAATTGA GGGTACTGAGCTGGTCGTGGACGTGGAGGACCACGTTGTATGTCTATGCCATTT GAACGCGAATCTATTTAACAGCTTTGCAGCTTATGGTAATCTTATTATGGATATA TAGCGTGGCTTGACAGGCTTTGTACTAGAATGGATTTATCAAGAACTGATGAATC 30 TAATGATTAGCATTTTTATAAAAACGAAGCATAGCAGATTGATCCTGTTTGCTTA AAACAATAGTAAAGGAATAATTTAAAGGAGAAAAACATGACTCAAGTATTTCAG GGACGCAGTTTCCTAGCTGAAAAAGATTTTACACGTGCTGAATTAGAATATCTTA TTGATTTTCAGCTCATTTGAAAGATTTGAAAAAAAGAGGGGTTCCCCATCATTA TTTAGAAGGAAAAATATTGCACTTTTGTTTGAAAAAACATCTACGCGGACACGC

TCTGCTTTTACGACTGCAGCCATTGATTTGGGAGCTCACCCTGAATACTTAGGGG CGAATGATATTCAGTTAGGTAAAAAGGAATCAACTGAAGATACTGCAAAAGTAT AGAACTTGCTGAATTTTCTGGTGTCCCAGTTTGGAATGGCTTGACAGATGAGTGG CATCCGACACAAATGTTGGCAGATTTTCTTACTGTTAAAGAGAAATTTTGGAAAAT 5 TAGAAGGCCTTACTCTGGTTTACTGTGGCGATGGTCGTAATAATATGGCCAATTC ACTCTTGGTAACCGGTGCTATTCTTGGTGTTAATGTTCGTATTTTCTCACCTAAGG CGGAGCTAAACTGCTGATTACAGAAGATGCAGATGAGGCTGTTAGAGGAGCAGA TGTCCTTTACACAGACGTTTGGGTGTCCATGGGTGAAGAATCTAAGTTTGAAGAA 10 CGTGTTAAATTATTGAAACCTTATCAGGTTAATATGGAATTAATCAAAAAAGCCG GCAATGAAAACCTTATTTTCCTCCACTGCTTACCAGCATTTCATGACACTAACACT GTTTACGGAAAAGATATCGAAGAGAAGTTTGGTGTTAAAGAAATGGAAGTGACA GATGAGGTCTTCCGCAGTTCTTATGCTCGGCAATTTGATCAAGCAGAAAACCGCA 15 AGTATAAGTGATAACAGACAGCTAGGAGAGCTGAGACTAATTTTCTTAGTTCAGC TCCCCTTTTTATTTGGTAATAAAGGAGGCAAAATGACAAATCGTAAAATAGTAGT TGCATTAGGAGGTAATGCCATTTTAACATCGGATCCATCGGCCGATGCTCAAAAA GCTGCTTTAGTTCAGACAGCTAAACATTTAGTGAAATTAATAAAAAAATGGCGATA 20 ATTTGATTACTCATGGTAATGGTCCGCAGGTTGGTAATCTGTTGTTACAAAAT TTGGAAGCGAACTCTGAAAAAAATCCCGCTCTTCCTCTTGATTCTTTAGTGGCCA TGACTGAAGGTTCTATTGGTTACTGGCTTCAAAATGCTCTTGAAAATGAGCTGAT TAAAGAAGGACTGGACAAGGAAGTCGCATCTGTAATAACTCAAGTCATCGTTGA TAAAAACGATCCTGCTTTCAAAGACCTAACCAAGCCGATTGGGCCTTTTTATAGC GAAGAAGAAGCTAAAGAAGAGGCTAAGAAAACCGGAGCAACGTTTAAAGCGGA 25 GAATTAGGAACAATTAAGACTCTGGTCAACTCTGGAGGAATTGTCATTGCTAGTG GTGGGGGAGGTATCCCTGTTGTTAAAGAGGATAATGGTACCCTTAAAGGAGTTG AGGCAGTCATAGACAAGGACTTTGCTTCTGAGAAATTAGCGACTTCAATTGAAGC AGATTTATTTATCATTTTAACTGGAGTGGACTATGTTTTTGTTAATTACAATAAAC 30 CAAATCAAAAGAAGCTGGAACATGTCACTGTTGCAGAGCTAGAAGAATATATCC AACAAAACCAATTTGCGCCTGGTTCAATGCTTCCAAAGGTTGAAGCAGCAATTTC CTTTGTGAAAAGTAGGCCCAATGCTAAAGCTGTCATTACATCGCTTGAGAATCTT GGAGCATTGGTAGAAAATGAAAGTGGCACTATTATTGAAAGTGTTAAAGGTTAA

AAGAGGAGAACATTGTTATGTCAGAAAAACCTAAAAAAATAGGCTTAGTAGCCT TAACAGCCTTAATTATCAGTTCATCTATAGGTTCTGGGATATTTGCGATTCCAACC GACATGGCATCTGCAGCGGCTCCCGGAGCGGCTTTAATTGCTTGGTTAATCGCAG GTCTGGGTGTTTTAGCTTTGTGCCTGTCTATTGTCAATATTGGAAGAAAAAAGCC AGAACTATCTGGGATTGTCAGTTATGCTGAGGATGGATTTGGTCCATTCAGTGGC 5 TTTATCAGTGGCTGGGTTACTGGCTCTCGGCGTGGTTAGGTAATGTTGCCTTTGC TACTATGATGAAAAACGTTAGGACGTTTTTTCCCAATTTTTGGCGAAGGCAAT TAATAGAGGTGTTGAAGGGGCAGCTTCACTGAATACTATCATCACCTTATGTAAG CTCGTTCCTCGCACTATACATTGTACTGGCTATCTTATTCTTTGATTTTGATACC 10 TTCATGAATAATTTTTGGGGCACTGCTTCTGGAGGCTTTGAATTTGGGAAAATAA TGGAGCAAGTTCAAAACTCAATGATGGTCATTATGTGGGTATTTGTCGGTGTTGA AGGGGCAGCCATGATGTCTGATCGAGCCCAAAGCAAGTCTATTATTGGGAAATC AACAGTTCTTGGTCTTCTTGGTCTCCTAGTCATATATGTGTCTGCTTCCATTTTGCC TTATGGTATTATGACACAAGAACAAGTTGCAGCATTACACAGTCCAGCGATGGG 15 ATATGTTCTTGTAGATAAAGTGGGAAACTGGTTCCCAGTTTTAGTTAATATTGCC CTTATTATTTCTATATTTGGTAGTTGGCTATCTTGGACAATGTTGCCTGCTGAAAC AACATTAGTTATGGCGAATCGCCACTTGCTTCCTCAAAAATTTGGTGAGTTAAAT GCTGCTGCCCCTACTTTTCACTTGTATTTATGACAGGGTTAACACAAATTTT 20 CATGTTTACTCTACTTTTCACAAATCAAGCTTACCAATTTGCCTATTCACTATGTA TTCAAACTTGGCGAACTGCCACAAACCCTTGTAGGATTAGTTGGTTCAATCTTTT ATTTGTGGGCTATTTGGGCTTCTGGCATTGATTATTTCCTTCTGTGTTTGATTGTCT ATCTTTAGGAATTATTCTTTATCGTCAAGCCAGAAAGGAAAAAGGTATTACAGA 25 ATTGCACTTTTAGACTCTTTACAGGACAGATTTCAATTAATAAAATCATATGTT TAGTTGTCATAACTGAAAATTGGACTTAAGAGAGAAATAAGAAGTAAAGTTGATA TATAGATCGTGTTACTTGTCAATCAGATGAGGACGTTTCGTAAAATCTTCTCAGG ACAGGTTATTCCTGACAAGTGCTGTTTTTCACGGAAATAACTGTTACAATAAAA 30 ATGGGTTGAATTAGAGCTAGACTAATAAACAGACTTTTGATGTTTAAAAAAGACG AGTTGATTTAGATATGGAAAGGGGTAAACAGATGAATATTCAGCCTTTTGGTGTT CAATTTCTTCAATGACTTTAAAAGAAATTCTTTCCATAGGAGATAAACCTCAAGA GGTCCTAATTGATGAACTTTTAAAAAAGAAAATGAATTATGGCTGGATTGAGGGT

TCTCCTGACTTTAAGGAAGAGGTAGCTAAATTATATGATCATGCTAAACCTAATC AAATTTTACAAACAAATGGAGCGACTGGAGCTAATTTTTTAGCCTTGTATGCCCT GATTGAAAGGGCGATCACATTATTTCTTTATATCCGACTTATCAGCAACTTTAT GATATTCCTAGATCTTTTGGAGCTGAAGTTGACTTTTGGGAGATAAAAGAAGAGA ATAATTGGCTGCCCTCACTTGATGACTTGCAGCATTTAATCAAGCCAAATACTAA 5 AATGATTTGTATTAATAATGCCAATAATCCAACAGGTGCTGTCATGGATCGCTCT TTCTTGGAAAAGCTTGTTGAGCTAGCAAGAGCAGCTGATATTTATATACTATCAG ATGAAGTTTATCGTCCTTTAGAAGAGGAACTTGATGTTCCGGCTATTTATGATCTT TACGATAAAGGAATTTCAACGCACAGCCTATCCAAAACCTATTCAGTTCCTGGTG 10 CCGCGATTATACGATGATTTGTGCAGGTGTTTTTGATGACTATATCGCGACGCAT ATTCTTAAGAATAAAGACAGAGTTATCGAAAGAAATAAAAAAATAGTTAGCGAG AATTTACAGATTGTAAAAGATTGGGTTGCCAAAGAACCTCGCGTATCACTGGTTG TTCCCAAAAAGTATCAACTTCATTTATTAAACTTGATATCCCTGAGGAAACAGA ACCATTTTGTATCAGGTTATTAAAGGAAAAAGGTGTTCTTTTGGTACCTGGAAAT 15 AGATTTGATCTACCTGGTTATGCTAGACTGGGATATTGTACTGATAAGGCAACTT TAATTAAGGGCTTAAGTGAGTTGTCTGAGTTTCTAAGACAATTTGATTAGCTGTT ATCTATGGGTGTCACTTGTCATATCAAATGTAATAAGTTCACTAATGAACTAGAA TTCTGTGTTTAGGTTGTTTGGCTTACTCCAAGCAACCTTTTGGCATTTTGTTTAGTC 20 TCTATAGGTACTCAAGAAGAATTGAAGCGTCAGCTTGAATTGGAAAAAGTGTTTG CAACTCAGGCAACCTTATCCCGAGATATGCGAGAACTAGGCCTTTTTAAATCACG AGATAAAGAAGGACGTTTGTATTATGAAATACCTGAAAATAGTGTAAGCATTTTT 25 TTCTTCATACAAATTTAGGAGAGGCAGATGTTTTGGCTAATTTGATCGATGAAGC CGGTAGTTCTGAAATTTTGGGAACAGTAGCTGGTGCTGATACGCTTTTAGTTATC TGTCGTGATAAAGAGACGGCTAGCCAACTAGAAAACGATGTTCTGTCCAGCTTAT GAGTTCATTTGAAAAAGCTCTTGAAGCTCTGATTGCGCTGCTGCGAGAACACGAC 30 AGTGTCATCGCTTATCAAGCTGTTGAAAAAAAGATTAAGTCTCTGCCGGAGCTCA GCCATTTAGTTTATAAAATGAAAGCCTATCAGCAGGATGCTGTGCTTTTTCAAAA GATTGAAAAGGCAGAAGCTCAAAAAGAAGCAGACCAGCAGCGGAGAAACTGG GAAAAAATCTAGAGTCGACCCCTCGAGGGGCAGCAAGC

SEO ID NO:4

5 S. mutans agmatine deiminase operon, including SMU.261c

GGAATATTTCCAATTTACGGGTGTTCTGCAAAATAGTCTTTGTACAAGGAAAAGA ATTGTTCTCGTTTATTGATGGCCATCTTGATATAAATATTGTGAATGTGAGTTTTT ACTGTGCCAACAGAGAGGTAAAGTTCCTTAGCAATCTCTTGATTTTGTTTATGTTC CAGCAAAAGTTGGCAAATGTCTTGTTCTCGTTCTGTCAAGTGGTAATAGTCAAAA 10 AAGTCTTGAATAGCATCTTTAGATAAAGCCTTTGTTTGTAAAGCTTGGTTTCTTTT TTCCAAGAGAGGATAATCTTTTAAAAAATAATAAAGAAGAAGCCAGCAGCAAT GATGGAAAAGAGATCTTCTGAAACATTTCGATTCATAATTTTTGTATTAAAAAATA CTGTATTGATCAACAGTGAAAATAACAAAAGTGTCCTCAATTAAAATAGCAACA CTGGCAATCATAGCTAGCAAAGCGATTAATTTTAAATATTTTTTACCTAACTTGCT 15 TACATTTCCTTCTTACTATTGAAAAAGGCTATCAAGCCTGTATAAAACAGAAGC AATTGATTTGGTAGGTAATAGAGGTATACCTTTGTAGCTGTATTGGGCAGTGATG GTAGTGATGGTAAGAGCATAAAGAGAAAAATAGCTAGTAAGATGAGGTATTCCC ACCAAGGCATTTTCCGTTTACTTAAATAATGAACAATCCATAACTGACAAAAGTT GTTAACGAGAAAACAGTTGTTTTAATGAAAGAAGTTCCTTGAAAGGAACTGTT 20 GTAATTGGAAGCAAAACTTGAAATAATTTCAGTCATTGAAATAACAGAATTATCT AAGATAAAAAAGAGCAGATAAAGAGAAGTGACTAAGTAAAGTGTCTTCTTTTTT TCTCTTATAAAGAAGCTTACAGAAAAGGCCATGGTAATGGCATAAAGCATCATT AATAATAGATTATAGATAGATGAGTTCAATTTTCATGGAAGAACCCTCCTTTA 25 ATTTCTCTTTAATATCTATAGTAATTATATCATTCAAATAAACTTTTATTGAAAAG GCTTTGTAAAAAGGCCTAAACCTTGGGTTTATTTTTAAAAAACGGTTTATTTCAT AAGGTTTAGTTAGCTAAACCTTTGTTTGTAATCGTTTACAGCTCAAAGTTTATAGT AAACTGCCCTTTAAAAAAATATGATGGAAATGAAAAAAATAGAGGAGGCTTCTA TGATGAAAAAACAGATTATATTACGACAGAGGATTTTTCTAAAGAAGAATTGC TAAAATTGGTAGATTTATCTTTAAAAATCAAGGCCTGTATCAAAAATGGCTACTA 30 TCCCCCTTATTGGAACACAAAAGTTTAGGGATGATTTTTCAACAAACCTCAACA CGAACACGTGTTTCCTTTGAAACAGCCATGAGCCAACTTGGAGGTCATGCACAAT ATTTAGCACCGGGACAAATTCAGCTTGGAGGTCATGAAACGATTGAGGATACGT CAACTGTTCTTTCCCGATTGGATGATATCTTAATGGCCCGTGTTGAACGTCACCA

AAGTGTAGTAGACTTGGCTAGATGTGCTTCTATTCCAGTTATTAACGGGATGTCT GATTATAATCATCCAACTCAGGAACTTGGAGATCTCTGTACAATGATAGAACATT TGCCAGCTGGTAAAAAGTTAGAAGATTGCAAAGTTGTCTTTGTTGGAGATGCGAC ACAGGTTTGTTTTCTCTTGCTCTAATAACGACTAAAATGGGAATTGGTTC ACTTTGGACCTAAAGGATTTCAATTAAACGACATGCATAAGGAAAAGTTAGATA 5 AAATTTGTGAACGATCTGGTGGAAAATACACTGTAACTGATAATGAAGATGCCA TTGAAGGTGCTGATTTCCTTTATACAGATGTTTGGTATGGTCTATACGAAGCAGA ATTATCTGAGGAAGAACGGATGCAAATTTTCTTCCCTAAATATCAAGTCGATAGT CTCGTGGTGAAGAGATTACAGATGAAGTGATGGACGGTCCTCATTCTATTTGCTT 10 TGACGAAGCAGAAAATCGTTTGACTTCCATTAGAGGATTGCTCGTTTATCTTTTA AGGGATTATAGGGAAAAGAATCCTTATGATTTAGTGAAGCAGGAAAAGGCTAAG GAAGAATTAGAAACTTTTTTGAAGCCGGAATAGGTAATTATATGAGAATGGGAC AGACTACCATGCTTGATACGCAATCATGTCTGTCCTAAACTCCTAACTTCCCTATT 15 CAGTACTTCTGTTATTTGTGTCGTCTTTGTTGCTGAAGCGGCTGCTCCGGTAGCT GCTATTGGGAATTCTCAATTCTTTTGGTGGCTCTTTTTATTAATTGCCTTTCTTCTA CCTTATGGTTTGATTTCATCTGAATTGGGAACAACTTATATTGGTGATGGTGGTAT CTATGATTGGGTGACCAAGGCTTTTGGTCATAAATGGGGCTCTCGAGTGGCTTGG 20 TATTATTGGATTAATTTCCACTCTGGCTAGCTTCTCTGGCAGTTATGACACCGGG TTTATTAACAACAGTTACTGGACACAACTTTTCAACTGTTACAGCTATTATTGTTG ATTTGGATTTTAAATGGTGCAGCTGTCATTAAAATGTTATTGGCCTTACTTGTTGG TGGCTTGGGCCTTTATGTGGCCCTGACCAAGGGCATGGCAAATGAAATGACCTTA 25 AAGTCACTGTTGCCTTCTTTAATCTGAACAGTCTCTCTTATATTTCAGTTATTATT TTTAACCTGCTCGGTTTTGAGGTTATTTGTACTTTTGCAGGAGATATGGAAAATCC TAAAAAGCAAATTCCTCAATCTATTATTGTTGCAGGTCTGGTAATTGCAGCTATC TATATTTTTCTGCTTTTGGTATTGGCGTCTCAATTCCAACGGATAAGATTTCAAC CAGCAGTGGTATGATGGATAGTTTTAAATTATTAACAGGCTCAACGGGCGGTTGG 30 TTTATCATGACCATGGCTTTTCTATTTTATTGACCTTGTTTGGCAATATGATTTCT TGGTCTCTCGGTGTTAATAATACAGCTTCTTATGCTGCAGAAAATGGAGACATGC CCCAATTTTTGCTAAAAGAAGTCGCAAAAGAGATATGCCAATTGGTGCTGCTCT TGCTAATGGTATTGTTGCTAGCATTGTGGTTGTTATTGCCCCATTTTTTGCCCAATC AAGATTTATTCTGGGCTTTCTTCTCCTTAAACTTAGTCATGTTTTTTATTGTCTTATG

TTCCTGTATTTCCAGCATTTTTCAAGTTGAGAAAAATAGATCCGGATACACCGCG TCCTTTTAAGGTTAGTGGCAATGATAGTTTTTTGAGATTACTTGTTATTTTACCAA TGATTTTAATTATCATTTCCTTGATTTTTACTGCTCTACCACTGGCTTTTGATTCTG AAACTTTAGCTTCAAAATTACCAATAACAATTGGTTCTCTTATTTTTATAGGGATA GGTGÄÄCTTÄTTÄTTATCATCAAÄAAAATAAAGAAATGAGGTAAGAAAATGGCA AAACGTATTAAAAATACAACTCCAAAACAAGATGGCTTTAGAATGCCAGGTGAA TTTGAAAAACAAAACAAATTTGGATGCTTTGGCCTTGGCGCAATGATAATTGGC GGTTGGGAGCTAAACCTGCTCAAAAGGCTTTTTTAGAAGTAGCTGAGGCTATTAG TGAGTTCGAGCCTGTCTCTTTTGTGTTCCGCCACTGCAATATGAAAATGCTTTGG CTCGCGTATCAGAATTGGGTAGTCATAATATTCGAATTATTGAAATGACCAATGA 10 TGATGCTTGGATTCGTGACTGTGGTCCAACATTTCTGGTGAATGACAAAGGAGAT TTGCGTGCGGTTGATTGGGAATTCAATGCCTGGGGAGGCTTAGTCGATGGTCTTT ATTTTCCTTGGGACCAAGATGCTTTAGTAGCACGTAAGGTTTGTGAAATAGAAGG TGTGGATTCTTACAAAACGAAAGATTTTGTTCTTGAAGGAGGTTCTATCCATGTG GATGGCGAAGGAACCGTTTTGGTAACAGAAATGTGTCTGTTACATCCTAGTCGTA 15 ATCCGCATCTGACCAAAGAAGATATTGAAGATAAATTGAAGGACTATCTTAATTG TGTAAAGGTTCTTTGGGTCAAGGATGGCATTGATCCTTATGAAACGAATGGTCAT ATTGATGATGTTGCCTGCTTTATTCGTCCGGGGGAAGTTGCCTGCATCTATACAG ATGATAAGGAACATCCTTTTTATCAGGAAGCTAAAGCAGCTTATGACTTCTTGTC TCAACAGACAGATGCCAAGGGACGTCCTTTAAAGGTTCATAAAATGTGCGTGAC 20 CAAGGAACCCTGTTATCTGCAGGAAGCTGCAACCATTGACTATGTTGAAGGCAGT ATTCCACGTGAAGAAGGAGAAATGGCGATTGCCTCTTATTTGAATTTCTTGATTG TTAATGGAGGGATTATTTTACCGCAGTATGGGGATGAAAATGATCAACTAGCTAA ACAGCAGGTACAGGAAATGTTTCCAGATAGAAAAGTCGTTGGTGTGAGAACAGA AGAAATTGCTTACGGTGGTGGCAATATTCACTGTATTACACAACAGCAACCTGCA 25 ACTTAAACTAATTAATCAGTGAAAATGGAGAAAATGTATGGCAAAAAGAAAAAT TGTCATTGCATTAGGGGGAAATGCAATTTTGTCTAGAGATGCTTCTGCCAAAGCA CAGCAGCAGCATTGGCTCAGACTGCCAAATATCTGGTCCAATTCATTAAAAATG GCAACAACAGCTGCTGATTCTTATGACAATCCAGCGCTTCCCTTGGATACCCTA 30 GTGGCCATGACAGAAGGTTCCATTAGTTATTGGTTACAAAATGCCTTAATCAATG AGTTAAGGAAACAATCCATTGATAAGGAAGTTGTGTCTATGGTAACAGAAGTAC TTGTATCAGCCGAAGATCCCGCTTTTGACCATCCCAGTAAACCCATCGGTCCTTTT CTTAGTGAGGAAGAAGCCTATCTGCAAGAAAAGATGACTGGTGCTACTTATAAA

GTAGATGCAGGCAGAGGTTGGCGAAAAGTAGTTGCTTCTCCCAAGCCAATTGCC
ATTCAGGAAATAGCAACGATAAAATCTTTGCTTAATACAGGAGCTGTTGTTATTA
CAGCAGGTGGCGGTGGCATTCCGGTTATTGAAGACCCTAAAACAAAAGAATTAA
TGGGTGTGGAAGCTGTTATTGATAAAGATTTTGCCAGTCAATTATTGGCCGAAAA
5 AATCAAAGCTGATTTATTTATTATTTTGACTGGTGTTGATCATGTTTATATTCATT
ATGGTCAACCTAATCAAGAAAAAATTAGAAAAAGTAACAGCAAGTCAGCTAAAAG
CATGGAAGGATCAACAACAATTTGCAGCAGGTAGCATGCTACCAAAAGTAGAAG
CAGCAATTGCCTTTGTTGAAGCACATCCCAGTGGAAAAAGCCATTATTACTTCTTT
AGAAAAATATAGCAAATGTTATTTCAGAAGGAAGTGGCACACAAATTACGGCTAA
10 TTAAGATGATGTTTGGAAA

SEQ ID NOS: 5-10

PCR Primers used for completing Streptococcus salivarius 57.I ure operon

Product #1:

15 S4420: GCTTATCGGCTTGGTAGAAG (SEQ ID NO:5)

TherAS17220: GCTTCGTGCTTCAATCC (SEQ ID NO:6)

Product #2:

S5290S: GTTCTGCTCCAGTTAGATATCAC (SEQ ID NO:7)

TherAS17750: GCAATCTCATCATAGACAG (SEQ ID NO:8)

20 Product #3

TherS17630: CTCAAAGAATGGCTGAAGG (SEQ ID NO:9

TheeAS18180: ACCTAGAACGATTTCCTACT (SEQ ID NO:10)

SEQ ID NOS: 11, 12

PCR Primers used to amplify complete structural gene encoding the α subunit of S. salivarius
57.I urease

ureCBglIIS (5'-TAGAAAGAGGACAGATCTATGAGTT-3'; SEQ ID NO:11) and ureCSalIAS (3'-CTCATTTATATAGGTCGACCCTTAGA; SEQ ID NO:12).

30 SEQ ID NOS: 13-18

RT-PCR primer pairs used for detecting mRNA within S. salivarius 57.I ure operon:

1. between ureD and ureM:

S3660: CTGAATTTAGAGTCTGATTTTGC (SEQ ID NO:13)

AS4175: GGCATTCGCACCAAAGGC (SEQ ID NO:14)

2. between ureM and ureQ:

S4420:GCTTATCGGCTTGGTAGAAG (SEQ ID NO:15)

AS5045: GGCTACAATCCACAAAACTGTG (SEQ ID NO:16)

3. between ureQ and ureO:

S5290:GTTCTGCTCCAGTTAGATATCAC (SEQ ID NO:17)

AS17750:GCAATCTCATCATAGACAG (SEQ ID NO:18)

SEQ ID NOS: 19, 20

Degenerate PCR primers, designed based on alignments of known anabolic and catabolic OTCs, for generating an internal fragment of *S. gordonii* DL1 *arcB*, encoding cOTC

Primer 5' arcBS, (5'-GGNGA(T/C)GCN(A/C)GNAA(T/C)AA(T/C)AT-3'; SEQ ID NO:19), Primer 3'arcBAS, (5'-TGCATNC(G/T)(A/G)TT(T/C)TCNGC(T/C)TG-3'; SEQ ID NO:20)

15

5

SEQ ID NO:21

Primer for primer extension analysis containing the antisense sequence of *arcA* located 42-bases 3' to the translational start site.

AsarcA (5'-CAGGTCTATGTAACATAACTTTTTTCA-3'; SEQ ID NO:21)

20

SEQ ID NO:22

Putative σ^{70} promoter of arc operon of S. gordonii

(ParcA: TTGTGT-N₁₉-TAGAAT; SEQ ID NO:22)

25 SEQ ID NOS:23, 24

Regulatory sequenes (cre sites) 5' to the transcription initiation site in arc operon of S. gordonii

AGAAAACGCTTCAA; SEQ ID NO:23, spanning from -107 to -94 TGTAAGTGTTTTCA; SEQ ID NO:24, spanning from -35 to -22

SEQ ID NOS:25, 26

Degenerate PCR primers, designed based on alignments of known anabolic and catabolic OTCs, for generating an internal fragment of *S. rattus* FA-1 *arcB* gene encoding cOTC.

5 Primer arcBS, 5'-CAAGTATTTCAGGGACGC-3', (SEQ ID NO:25)
Primer arcBAS, 5'-CATCTGTCAAGCCATTCC-3' (SEQ ID NO:26)

SEQ ID NO:27

Primer ArcAS (5'-GACGATGTAACATTACCTTCTT-3'; SEQ ID NO:27)

10 (encodes the antisense sequence of *S. rattus* FA-1*arcA* located 50 bases downstream from the translational start site)

SEQ ID NOS:28-33

15

PCR primer pairs flanking the intergenic region of arcAB, arcDT and arcTR, respectively of S. rattus FA-1.

arcABS (5'-CTGTGTATGTCTATGCCATTTG-3'; SEQ ID NO:28);
 arcABAS (5'-AGCTAGGAAACTGCGTCCCT-3'; SEQ ID NO:29);
 arcDTS (5'-TTTAGACTCTTTACAGGACAGATT-3'; SEQ ID NO:30);
 arcDTAS (5'-TGAATATTCATCTGTTTACCCCTT-3'; SEQ ID NO:31);
 arcTRS (5'-AGTGAGTTGTCTGAGTTTCTA-3'; SEQ ID NO:32);
 and arcTRAS (5'-TTTATCTTACTTTGGCGCAATA-3'; SEQ ID NO:33).

SEQ ID NOS:34-37

Recombinant PCR primers for amplifying the S. rattus FA-1 arcA promoter and deletion
derivatives, for ligation into 5' end of promoterless chloramphenical acetyltransferase gene
(cat) from Staphylococcus aureus.

Sense primers:

arcASacI-S400 (TTGCTCTAGAGCTCTCAAATGACAGAA; SEQ ID NO:34); arcASacI-S150 (TTATAAATTCGAGCTCCAAAAAACGTGAA; SEQ ID NO:35);

30 arcASacI-S100 (TAAATAACAATTCGAGCTCGAAAAAAATCTTA; SEQ ID NO:36]
Antisense primers:

arcABamHI-AS (TTTTGAGTCATGGATCCTACTCCTTTCGAT; SEQ ID NO:37).

SEQ ID NOS:38, 39

PCR primer pair for amplification of the first strand aguB cDNA from S. mutans UA159 aguBS (5'-CAGATTATCTAGACAGAGGATTT-3'; SEQ ID NO: 38) aguBAS (5'-TACCAGCTGGGAATCCTTCTATCATTGTA-3'; SEQ ID NO:39).

5

10

SEQ ID NOS:40-43

Primer pairs used in recombinant PCR to construct a polar aguB mutant in S. mutans. The first half of aguB was amplified using primer pairs:

aguBSXbaI (5'-CAGATTATATCTAGACAGAGGATTT-3'; SEQ ID NO:40) and aguBASEcoRI (5'-TACCAGCTGGGAATTCTTCTATCATTGTA-3'; SEQ ID NO:41), (used for amplifying the first half of *aguB*)

aguBSEcoRI (5'-TACAATGATAGAAGAATTCCCAGCTGGTA-3'; SEQ ID NO:42) and aguBASSstI (5'-ACCGTCCATGAGCTCATCTGTAATCT-3'; SEQ ID NO:43)

15 (used for amplifying the remaining portion of aguB)

SEQ ID NOS:44, 45

PCR primer pair for generating an aguB-specific probe i.e., an internal fragment of S. mutans UA159 aguB, encoding a putative putrescine carbamoyltransferase:

20

aguBS (5'-CAGATTATATCTAGACAGAGGATTT-3'; SEQ ID NO:44) aguBAS (5'-TACCAGCTGGGAATCCTTCTATCATTGTA-3'; SEQ ID NO:45).

SEQ ID NOS:46-50

25 Agmatine deiminase operon from S. mutans; amino acid sequences

SMU.261c LuxR-like Transcriptional Regulator (SEQ ID NO:46)

RVFCKIVFVQGKELFSFIDGHLDINIVNVSFYCANREVKFLSNLLILFMFQQKLANVLF
30 SFCQVVIVKKVLNSIFR*SLCL*SLVSFFQERIIF*KIIKKKPAGNDGKEIF*NISIHNFCIK
NTVLINSENNKSVLN*NSNTGNHS*QSD*F*IFFT*LAYIFLLTIEKGYQACIKQKQLIW
*VIEVYLCSCIGQ*W**W*EHKEKNS**DEVFPPRHFPFT*IMNNP*LTKVVNEKNSCF
NERSSLKGTVVIGSKT*NNFSH*NNRII*DKKEQIKRSD*VKCLLFFSYKEAYRKGHGN
GIKHH***IIDIDEFNFH

Putrescine Carbamyltransferase (SEQ ID NO:47)

MMEMKKIEEASMMKKTDYITTEDFSKEELLKLVDLSLKIKACIKNGYYPPLLEHKSL

5 GMIFQQTSTRTRVSFETAMSQLGGHAQYLAPGQIQLGGHETIEDTSTVLSRLDDILMA
RVERHQSVVDLARCASIPVINGMSDYNHPTQELGDLCTMIEHLPAGKKLEDCKVVFV
GDATQVCFSLALITTKMGMEFVHFGPKGFQLNDMHKEKLDKICERSGGKYTVTDNE
DAIEGADFLYTDVWYGLYEAELSEEERMQIFFPKYQVDSQMMAKAGADCKFMHCL
PATRGEEITDEVMDGPHSICFDEAENRLTSIRGLLVYLLRDYREKNPYDLVKQEKAK
10 EELETFLKPE

Agmatine: Putrescine Antiporter (SEQ ID NO:48)

MEGKKKFSLFSAVLSVICVVFVAEAAAPVAAIGNSQFFWWLFLLIAFLLPYGLISSEL

15 GTTYIGDGGIYDWVTKAFGHKWGSRVAWYYWINFPLWLASLAVMTPGLLTTVTGH
NFSTVTAIIVELIFIWLVIWISFYPVSDSIWILNGAAVIKMLLALLVGGLGLYVALTKG
MANEMTLKSLLPSFNLNSLSYISVIIFNLLGFEVICTFAGDMENPKKQIPQSIIVAGLVI
AAIYIFSAFGIGVSIPTDKISTSSGMMDSFKLLTGSTGGWFIMTMAFLFLLTLFGNMIS
WSLGVNNTASYAAENGDMPQFFAKRSRKRDMPIGAALANGIVASIVVVIAPFLPNQD

20 LFWAFFSLNLVMFLLSYVPVFPAFFKLRKIDPDTPRPFKVSGNDSFLRLLVILPMILIIS
LIFTALPLAFDSETLASKLPITIGSLIFIGIGELIIIKKIKK

Agmatine Deiminase 9SEQ ID NO:49)

25 MAKRIKNTTPKQDGFRMPGEFEKQKQIWMLWPWRNDNWRLGAKPAQKAFLEVAE AISEFEPVSLCVPPLQYENALARVSELGSHNIRIIEMTNDDAWIRDCGPTFLVNDKGD LRAVDWEFNAWGGLVDGLYFPWDQDALVARKVCEIEGVDSYKTKDFVLEGGSIHV DGEGTVLVTEMCLLHPSRNPHLTKEDIEDKLKDYLNCVKVLWVKDGIDPYETNGHI DDVACFIRPGEVACIYTDDKEHPFYQEAKAAYDFLSQQTDAKGRPLKVHKMCVTKE PCYLQEAATIDYVEGSIPREEGEMAIASYLNFLIVNGGIILPQYGDENDQLAKQQVQE MFPDRKVVGVRTEEIAYGGGNIHCITQQQPAT

Carbamate Kinase (SEQ ID NO:50)

MAKRKIVIALGGNAILSRDASAKAQQAALAQTAKYLVQFIKNGDDLVITHGNGPQV GNLLLQQTAADSYDNPALPLDTLVAMTEGSISYWLQNALINELRKQSIDKEVVSMVT EVLVSAEDPAFDHPSKPIGPFLSEEEAYLQEKMTGATYKVDAGRGWRKVVASPKPIA IQEIATIKSLLNTGAVVITAGGGGIPVIEDPKTKELMGVEAVIDKDFASQLLAEKIKAD LFIILTGVDHVYIHYGQPNQEKLEKVTASQLKAWKDQQQFAAGSMLPKVEAAIAFVE AHPSGKÄIITSLENIANVISEGSGTQITAN

5